

VI Simpozijum Sekcije za oplemenjivanje organizama  
Društva Genetičara Srbije i IX Simpozijum Društva selekcionera i  
semenara Republike Srbije

**ZBORNIK APSTRAKATA**

Vrnjačka Banja, 7 – 11. 5. 2018.

Izdavač:

Društvo Genetičara Srbije  
Društvo selekcionera i semenara Republike Srbije

Urednici:

dr Violeta Anđelković  
dr Jelena Srdić

Štampa:

Akademska izdanja d.o.o., Zemun, Beograd

*Tiraž:*

150

Ova publikacija je štampana uz finansijsku pomoć Ministarstva prosvete, nauke i tehnološkog razvoja

Simpozijum je organizovan u saradnji sa Institutom za kukuruz „Zemun Polje“ i Institutom za šumarstvo, Beograd

**ISBN:** 978-86-87109-14-8

**VI Simpozijum Sekcije za oplemenjivanje organizama  
Društva Genetičara Srbije i IX Simpozijum Društva selekcionera  
i semenara Republike Srbije**

**Organizacioni odbor:**

dr Jelena Srđić  
dr Snežana Mladenović Drinić  
dr Dejan Sokolović  
dr Milan Stevanović  
dr Vladan Popović  
dr Vlada Pantelić  
dr Jelena Ovuka  
dr Dejan Cvikić  
dr Emina Mladenović  
dr Marina Nonić  
Natalija Kurjak  
dr Ratibor Štrbanović  
dr Ljubiša Kolarić  
dr Marija Milivojević  
dr Bojan Jocković  
dr Sanja Mikić

**Sekretarijat:**

Jelena Mesarović  
Milica Nikolić  
Aleksandar Popović  
Miloš Crevar  
Mihajlo Ćirić  
Petar Čanak

**Naučni odbor:**

dr Violeta Andđelković  
dr Jelena Srđić  
dr Snežana Mladenović Drinić  
dr Ana Marjanović Jeromela  
dr Vojka Babić  
dr Sanja Vasiljević  
dr Nenad Delić  
dr Domagoj Šimić  
Prof. dr Milan Mataruga  
Prof dr Zoran Jovović  
Prof dr Dane Bošev  
dr Ankica Kondić Špika  
Prof. dr Desimir Knežević  
Prof. dr Mirjana Šijačić Nikolić  
Prof dr Jan Boćanski  
dr Aleksandar Lučić  
dr Dragana Jošić  
dr Nenad Pavlović  
dr Sandra Cvejić  
dr Slađana Marić  
dr Mile Sečanski  
dr Srđan Stojnić  
dr Dušica Ostojić Andrić  
dr Jasmina Milenković  
dr Vladimir Filipović  
dr Vladimir Ugrenović  
dr Vesna Perić  
dr Dobrivoj Poštić  
Prof. dr Dragan Nikolić  
dr Dragana Miladinović  
dr Milena Simić

## UV-2

### FENOTIPSKA VARIJABILNOST CRVENE DETELINE (*Trifolium pratense* L.) KORIŠĆENJEM MORFOLOŠKIH MARKERA

Sanja Vasiljević<sup>1✉</sup>, Irena Radinović<sup>2</sup>, Miroslav Zorić<sup>1</sup>, Gordana Branković<sup>2</sup>,  
Branko Milošević<sup>1</sup>, Tomislav Živanović<sup>2</sup>, Slaven Prodanović<sup>2</sup>

<sup>1</sup>Institut za ratarstvo i povrtarstvo, Novi Sad

(✉sanja.vasiljevic@ifvcns.ns.ac.rs)

<sup>2</sup>Poljoprivredni fakultet Zemun, Univerzitet u Beogradu, Srbija

Crvena detelina (*Trifolium pratense* L.), izrazito stranooplodna biljna vrsta, koja se odlikuje gametofitskim sistemom inkompatibilnosti, a populacije su heterogene i sastoje se od heterozigotnih genotipova. Da bi biljni genetički resursi mogli biti korišćeni u programima oplemenjivanja, neophodno je izvršiti prethodnu karakterizaciju i evaluaciju uzoraka, koji se nalaze u kolekcijama germplazme. Precizan i sveobuhvatan opis germplazme crvene deteline je jedan od osnovnih preduslova u ostvarivanju uspešnog oplemenjivanja. Cilj ovog istraživanja je bio da se posredstvom analize homogenosti (HOMALS) oceni fenotipska varijabilnosti 46 genotipova crvene deteline koji su deo kolekcije Instituta za ratarstvo i povrtarstvo u Novom Sadu. Analiza homogenosti ("Homogeneity analysis-HOMALS"), poznata i kao višestruka korespondentna analiza ("Multiple correspondence analysis-MCA"), omogućava proučavanje povezanosti većeg broja kvalitativnih varijabli, tj. kategoričkih, nominalnih podataka. Na osnovu HOMALS analize četiri morfološke osobine (forma rasta, maljavost stabljike, boja lista i intenzitet obojenosti pege na listu) i jedne fenološke osobine (vreme cvetanja), prisutne kod 46 genotipova crvene deteline konstruisan je HOMALS grafikon, pri čemu je prvom osom objašnjeno 38,4%, a drugom osom 32,8% ukupne varijabilnosti podataka morfoloških deskriptora (i jednog fenološkog). Distanca između dva genotipa na grafikonu je odraz sličnosti njihovih profila. Analizirani genotipovi crvene deteline su na osnovu sličnosti njihovih morfološko-fenoloških profila grupisani u 7 homogenih grupa. HOMALS analiza je omogućila da se jasno izdvoje oni genotipovi crvene deteline koji su bili sa jedinstvenim profilima u odnosu na homogene grupe, a takvi genotipovi nisu bili jasno uočljivi pri primeni UPGMA klaster metode. HOMALS metoda se pokazala kao informativnija, jer je jasnije prikazala morfološku varijabilnost ispitivanog materijala.

**Ključne reči:** fenotipska varijabilnost, morfološki markeri, *Trifolium pratense* L.

*Rezultat projekta TR 31024 Ministarstva prosvete, nauke i tehnološkog razvoja Republike Srbije.*

## PHENOTYPIC VARIABILITY OF RED CLOVER (*Trifolium pratense* L.) USING MORPHOLOGICAL MARKERS

Red clover (*Trifolium pratense* L.) is a cross-pollinated species characterized by gametophytic incompatibility system; its populations are heterogeneous and consist of heterozygous genotypes. Use of plant genetic resources in breeding programs implies pre-characterization and evaluation of germplasm collection samples. A precise and comprehensive description of red clover germplasm is one of the basic prerequisites for achieving successful breeding. The aim of the study was to evaluate phenotypic variability of 46 red clover genotypes using Homogeneity Analysis (HOMALS), which belong to Institute of Field and Vegetable Crops, Novi Sad collection. Homogeneity analysis, also known as Multiple Correspondence Analysis (MCA), allows studying the connection of a number of qualitative variables, i.e. categorical, nominal data. Based on HOMALS analysis of four morphological traits (growth habit, stem hairiness, leaf color and leaf spots coloration intensity) and one phenological trait (flowering time) present in 46 red clover genotypes, HOMALS figure was designed, with the first axis explaining 38.4%, and the second axis 32.8% of the total variability of morphological descriptors data (and one phenological). Distance between two genotypes in the figure is a reflection of their profiles similarity. Analyzed red clover genotypes were grouped in 7 homogeneous groups based on similarity of their morphological and phenological profiles. HOMALS analysis allowed clear distinction of red clover genotypes with unique profiles compared to homogeneous groups, and such genotypes were not clearly detectable in the application of UPGMA cluster method. HOMALS method was more informative because it showed morphological variability of the tested material more clearly.

**Key words:** phenotypic variability, morphological markers, *Trifolium pratense* L.

*This is the result of TR 31024 project funded by Ministry of Education, Science and Technological Development of the Republic of Serbia.*