

VI Simpozijum Sekcije za oplemenjivanje organizama
Društva Genetičara Srbije i IX Simpozijum Društva selekcionera i
semenara Republike Srbije

ZBORNİK APSTRAKATA

Vrnjačka Banja, 7 – 11. 5. 2018.

Izdavač:

Društvo Genetičara Srbije
Društvo selekcionera i semenara Republike Srbije

Urednici:

dr Violeta Anđelković
dr Jelena Srdić

Štampa:

Akademski izdanja d.o.o., Zemun, Beograd

Tiraž:

150

Ova publikacija je štampana uz finansijsku pomoć Ministarstva prosvete, nauke i tehnološkog razvoja

Simpozijum je organizovan u saradnji sa Institutom za kukuruz „Zemun Polje“ i Institutom za šumarstvo, Beograd

ISBN: 978-86-87109-14-8

**VI Simpozijum Sekcije za oplemenjivanje organizama
Društva Genetičara Srbije i IX Simpozijum Društva selekcionera
i semenara Republike Srbije**

Organizacioni odbor:

dr Jelena Srdić
dr Snežana Mladenović Drinić
dr Dejan Sokolović
dr Milan Stevanović
dr Vladan Popović
dr Vlada Pantelić
dr Jelena Ovuka
dr Dejan Cvikić
dr Emina Mladenović
dr Marina Nonić
Natalija Kurjak
dr Ratibor Štrbanović
dr Ljubiša Kolarić
dr Marija Milivojević
dr Bojan Jocković
dr Sanja Mikić

Sekretarijat:

Jelena Mesarović
Milica Nikolić
Aleksandar Popović
Miloš Crevar
Mihajlo Ćirić
Petar Čanak

Naučni odbor:

dr Violeta Anđelković
dr Jelena Srdić
dr Snežana Mladenović Drinić
dr Ana Marjanović Jeromela
dr Vojka Babić
dr Sanja Vasiljević
dr Nenad Delić
dr Domagoj Šimić
Prof. dr Milan Mataruga
Prof dr Zoran Jovović
Prof dr Dane Bošev
dr Ankica Kondić Špika
Prof. dr Desimir Knežević
Prof. dr Mirjana Šijačić Nikolić
Prof dr Jan Bočanski
dr Aleksandar Lučić
dr Dragana Jošić
dr Nenad Pavlović
dr Sandra Cvejić
dr Slađana Marić
dr Mile Sečanski
dr Srđan Stojnić
dr Dušica Ostojić Andrić
dr Jasmina Milenković
dr Vladimir Filipović
dr Vladimir Ugrenović
dr Vesna Perić
dr Dobrivoj Poštić
Prof. dr Dragan Nikolić
dr Dragana Miladinović
dr Milena Simić

U-1

GENETIČKA VARIJABILNOST KOLEKCIJA PROLEĆNOG BELOG LUKA U SRBIJI

Jelica Gvozdanović-Varga¹✉, Đorđe Moravčević², Miroslav Zorić¹, Slobodan Vlajić¹, Danica Mladenović¹, Nenad Pavlović³, Dušanka Bugarski¹

¹Institut za ratarstvo i povrtarstvo, Novi Sad (✉jelica.varga@ifvcns.ns.ac.rs

²Univerzitet u Beogradu, Poljoprivredni fakultet;

³Institut za povrtarstvo, Smederevska Palanka

Vegetativni način razmnožavanja belog luka (*Allium sativum* L.) je ograničavajući faktor ne samo za održavanje genetičke raznovrsnosti, već i za eksploataciju u selekciji. U našem regionu dominiraju domaći ekotipovi prolećnog belog luka, visoko adaptirani agroekološkim uslovima. U radu je ispitivana varijabilnost genotipova prolećnog belog luka koji se nalaze u kolekciji Instituta za ratarstvo i povrtarstvo u Novom Sadu (NS) i Poljoprivrednog fakulteta u Beogradu (BG). Podaci o kvantitativnim osobinama lukovice za 71 genotip prikazani su pomoću nekoliko parametara deskriptivne statistike kao i multivarijantne analize glavnih komponenti (PC). Zbog prisustva genotipova sa ekstremnim vrednostima određenih osobina korišćena je i robusna verzija analize glavnih komponentata (r-PC). Visok stepen varijabilnosti ustanovljen je za masu lukovice, broj čenova i masu čenova kod obe kolekcije. Genotipovi sa visokim vrednostima mase lukovice, čenova i broja čenova imali su značajan doprinos u vizualizaciji međuzavisnosti ovih osobina kao i njihovom grupisanju.

Ključne reči: beli luk, kolekcija, genetička varijabilnost, glavne komponente

Rezultat projekta: TR31030, „Stvaranje sorata i hibrida povrća za gajenje na otvorenom polju i u zaštićenom prostoru“

GENETIC VARIABILITY IN THE SERBIAN COLLECTION OF SPRING GARLIC

Vegetative propagation of garlic (*Allium sativum* L.) is a limiting factor not only for maintenance of genetic variability, but also for exploitation during selection. Local ecotypes of spring garlic that are highly adapted to agroecological conditions prevail in our region. Variability of spring garlic genotypes that are part of the Institute of Field and Vegetable Crops in Novi Sad (NS) and Faculty of Agriculture in Belgrade (BG) collections was studied in this paper. Data about bulb quantitative traits for 71 genotypes are shown using several parameters of descriptive statistics and multivariate analysis of principal components (PC). Presence of genotypes with extreme values of determined traits was the cause of using robust version of the principal component analysis (r-PC). High degree of variability was determined for the weight of the bulb, number of cloves and weight of cloves in both collections. Genotypes with high values of bulb weight, clove weight and number of cloves had a significant contribution to visualization of these traits interdependence, as well as their grouping.

Key words: garlic, collection, genetic variability, main components

Project: TR31030, "Development of vegetable cultivars and hybrids intended for outdoor and indoor production"